

Effet des variations (SNPs) sur la séquence en acide aminé de TAS2R38

Position 145

Non Sensible:	cag gca ctg	Q- A -C
Sensible:	cag cca ctg	Q- P -C

Position 785

Non Sensible:	tgt gtt gcc	C- V -A
Sensible:	tgt gct gcc	C- A -A

Position 886

Non sensible:	gcc atc ctg	A- I -L
Sensible:	gcc gtc ctg	A- V -L